



자원 식별 및 분류 분자표지 세트 (14개)

인삼

개발자 서울대학교 양태진

TAGC 유망기술 홍보서 : 분자표지
1. 원예작물

개발 개요

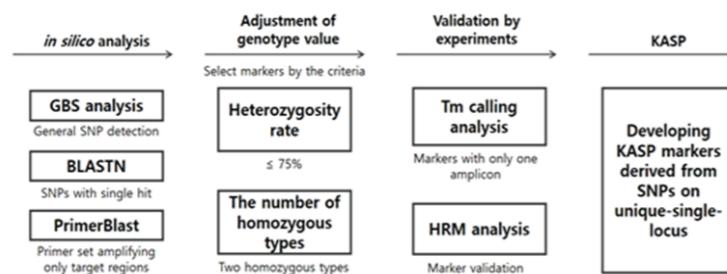
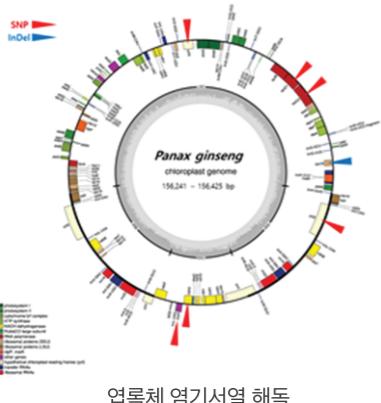


개발 목적

- 인삼 품종을 포함한 육종자원 및 수집 산삼을 구별할 수 있는 분자표지 세트를 개발함

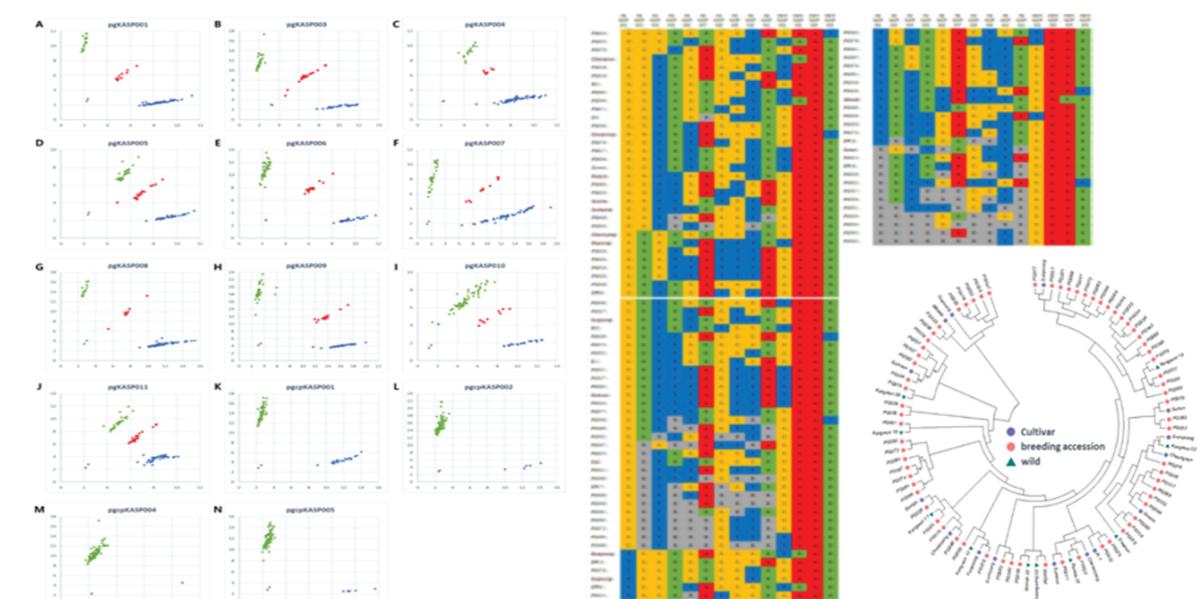
개발 배경

- 연구재료 : 품종을 포함한 인삼 육종 자원 및 수집 산삼 등 인삼 자원
- 개발내용 : 다양한 인삼 유전자원 94점을 GBS 방법을 이용하여 유전체 염기서열 정보를 해독하고 이를 핵 염기서열을 기반으로 10개 및 엽록체 염기서열을 기반으로 4개 등 총 14개의 SNP 분자표지를 개발하고 대량 분석 가능한 KASP 분자표지로 전환함



분자표지 검증

- 검증재료 : 인삼 유전자원 94점
- 검증내용 : 다양한 인삼 유전자원에 개발된 14점의 KASP 분자표지를 적용한 결과 대부분의 품종과 유전자원이 식별 가능하여 인삼 품종 및 유전자원 관리에 적합하고 육종에서도 활용 가능함



활용 방법

- 기술이전 통상/전용실시권 계약

지식재산권

- 인삼 품종 또는 자원의 판별 및 분류를 위한 SNP 기반 KASP용 프라이머 세트 및 이의 용도
(출원 10-2019-0039309)