

32

다형성 마커를 이용한 뇌졸중 예측 방법



● 기술개요

본 기술은 뇌졸중의 위험을 예측할 수 있으며, 뇌졸중을 위한 치료 분야에 유용하게 이용 가능한 기술이다. 본 기술에 따르면 소수 대립유전자 C 또는 TC/CC 유전자형의 빈도가 정상인에 비해 뇌졸중 환자에서 유의적으로 감소하는 것을 확인하여 유전자 다형성을 뇌졸중에 대한 마커로 이용하여 뇌졸중의 위험을 예측한다.

특성	대조군 (N=488)	환자 (N=656)	P
성 (M/F)	213/275	350/306	0.0012
나이	62 (55, 68)	68 (59, 74)	<.0001
HT (Y/N)	68/418	366/284	<.0001
HL (Y/N)	24/460	52/589	0.0369

[실험대상의 통계학적 및 임상적 특성]

● 기술성

- 소수 대립유전자 C 또는 TC/CC 유전자형의 빈도가 정상인에 비해 뇌졸중 환자, 특히 한국인에서 유의적으로 감소하며, 허혈성 뇌졸중의 연관성이 다중 인자에 대한 적용 후에도 여전히 유효함 확인
- 전자 다형성을 마커로 이용하여 뇌졸중의 위험을 신속하고 용이하게 예측

● 대표청구항

- TMEM5(Transmembrane 5)의 5'-조절부위(5'-regulatory region)를 구성하는, 서열번호 1로 기재되는 염기서열을 갖는 rs11175166에 있어서, 27번째 염기를 포함하고 20 내지 100개의 연속 염기로 구성되는 폴리뉴클레오티드 또는 그의 상보적 폴리뉴클레오티드를 증폭시킬 수 있는 프라이머쌍을 포함하는 뇌졸중 위험 예측용 키트

● 연구자 김노수

● 거래유형 통상실시권

● 기술가격 무상

● 관련특허 뇌졸중 예측용 TMEM5 유전자 다형성 마커 및 이를 이용한 뇌졸중 예측 방법(10-1046341)



뇌졸중 진단