

33

LIPG 유전자 다형성 마커를 이용한 뇌졸중 예측 방법



● 기술개요

본 기술은 뇌졸중 예측용 유전자 다형성 마커 및 이를 이용한 뇌졸중 예측 방법이다. 본 기술에 따르면, 인간 내피 리파아제의 프로모터 부위의 단일염기다형성인 CT/TT 유전자형의 빈도가 정상인에 비해 뇌졸중 환자에서 유의적으로 증가하는 것을 확인할 수 있다. 따라서 뇌졸중의 위험을 예측할 수 있으며, 뇌졸중을 위한 치료 분야에 유용하게 이용될 수 있다.

특성	대조군 (N=488)	환자 (N=656)	P	P*
성 (M/F)	213/275	350/306	0.0012	
나이	62 (55, 68)	68 (59, 74)	<.0001	<.0001
HT (Y/N) ^a	68/418	366/284	<.0001	
HL (Y/N) ^a	24/460	52/589	0.0369	
IHD (Y/N) ^a	9/475	37/605	0.0011	
Smoking(1/2/3) ^b	28/266/191	195/104/355	<.0001	
Drinking(1/2/3) ^b	154/31/299	241/58/357	0.0447	
Waist(cm)	83.88±8.39	86.0 (80.0, 92.0)	0.0003	0.0002
FBS	98.0 (92.0, 105.0)	98.0 (89.0, 109.5)	0.4284	0.8887
TC	198.0 (177.0, 224.0)	187.0 (163.0, 212.0)	<.0001	<.0001
TG	129.0 (89.0, 180.0)	121.0 (88.0, 179.0)	0.7947	0.7063
HDL	51.5 (43.2, 59.9)	41.0 (33.7, 49.0)	<.0001	<.0001
LDL	117.1 (98.8, 141.6)	117.6 (95.4, 138.6)	0.4301	0.4376

[본 기술 실험대상의 통계학적 및 임상적 특성]

● 기술성

- 정상인의 소수 대립유전자 T의 빈도에 비해 높은 피검체를 뇌졸중 발생 위험이 높은 개체로 판정하는 단계를 포함하는 뇌졸중 위험 예측 방법을 제공
- 정상인의 유전자형 CT+TT의 빈도에 비해 높은 피검체를 뇌졸중 발생 위험이 높은 개체로 판정하는 단계를 포함하는 뇌졸중 위험 예측 방법을 제공

● 대표청구항

- LIPG의 프로모터부위를 구성하는 서열번호 1로 기재되는 염기서열을 갖는 rs9958947에 있어서, 25번째 염기를 포함하고 20 내지 100개의 연속 염기로 구성되는 폴리뉴클레오티드를 증폭시킬 수 있는 프라이머쌍을 포함하는 뇌졸중 위험 예측용 키트

● 연구자 김노수

● 거래유형 통상실시권

● 기술가액 무상

● 관련특허 뇌졸중 예측용 LIPG 유전자 다형성 마커 및 이를 이용한 뇌졸중 예측 방법(10-1046342)



뇌졸중 진단 칩, 키트